


**FLEMING RESEARCH
SERVICE LAB**
COD.EVAR01.09.12.10 DS MV CR
VARIAZIONI ELENCO ESAMI

I cambiamenti si riferiscono ai campioni che vengono accettati in Laboratorio Fleming Research nelle date segnalate. Si raccomanda l'aggiornamento di tutti gli elenchi esami in vostro possesso. Sul sito www.fleming-research.it l'elenco esami sarà aggiornato automaticamente.

PER ULTERIORI CHIARIMENTI CONTATTARE IL RESP. QUALITA' -DR. DAVIDE STANGALINI

Tel. 02-92956410 -Fax 02-55230125

e-mail service@fleming-research.it

NUOVI ESAMI Da Giovedì 09/12/10

HE4 – ALGORITMO R.O.M.A

Variazioni: Nuovo Esame

COD. ASL	-	COD. FLEMING RESEARCH	MT32
METODO	Chemiluminescenza	REFERTAZIONE (gg lavorativi)	3
CAMPIONE	Siero	FREQUENZA ESECUZIONE	2/settimana
CONSERVAZIONE	+4 °C	U MISURA	(vedi tabella allegata)
QUANTITA' MINIMA	2,0 mL	VALORI RIFERIMENTO	(vedi tabella allegata)

DOSAGGIO	UNITA' di MISURA	RANGE DI NORMALITA'
HE4	pmol/L	<70 Pre-Menopausa <140 Post-Menopausa
CA125	U/mL	<35
R.O.M.A. Risk of Ovarian Cancer Malignancy Algorithm	%	Pre-Menopausa <7.4% Basso Rischio ≥7.4% Rischio Elevato Post-Menopausa <25.3% Basso Rischio ≥25.3% Rischio Elevato

NOTE:

La proteina dell' **Epididimo Umano 4 (HE4)** rappresenta un biomcatore utile per la individuazione del carcinoma ovario ed ha espressione minima nel normale tessuto ovario. La proteina HE4 ha dimostrato di possedere una specificità del 96% ed una sensibilità dell'80% nel confronto tra soggetti sani e pazienti oncologiche. (R-G.Moore et al. Gynecol.Oncol 2008; 108:402-408)

R.O.M.A (Risk of Ovarian Cancer Malignancy Algorithm – Algoritmo del Rischio di Malignità Ovarica)

L'algoritmo, ricavato dai risultati dei dosaggi HE4 e CA125 offre al medico un indice utile per la stratificazione del rischio in donne con massa pelvica, sia pre- che post-menopausa, e per distinguere le pazienti che presentano un rischio basso oppure elevato di Carcinoma Ovario Epiteliale (EOC). (R-G.Moore et al. Gynecol.Oncol 2009; 112:40-46)

FSHR – Genotipo del Recettore per FSH

Variazioni: Nuovo Esame

COD. ASL	2x(91303) + 91365	COD. FLEMING RESEARCH	GM92
METODO	PCR, SEQUENZIAMENTO	REFERTAZIONE (gg lavorativi)	10
CAMPIONE	sangue+EDTA	FREQUENZA ESECUZIONE	10 giorni
CONSERVAZIONE	+4 °C (>72h: -20 °C)	U MISURA	
QUANTITA' MINIMA	2 mL	VALORI RIFERIMENTO	Asn680Ser : Negativo (Asn/ Asn) Thr307Ala : Negativo (Thr/Thr)

NOTE: Il genotipo del recettore dell'FSH (FSHR) svolge un ruolo importante nel determinare la risposta ovarica ad una stimolazione con l'ormone FSH. Esistono due polimorfismi a singolo nucleotide localizzati a livello dell'esone 10 del gene FSHR. il Polimorfismo Asn680Ser e il -Polimorfismo Thr307Ala.

I suddetti polimorfismi sono tra loro in linkage disequilibrium, cioè a Ser680 e' associato anche Ala307, così da rendere molto frequenti queste due combinazioni alleliche tra le quattro possibili.

MODIFICHE ESAMI Da Giovedì 09/12/10

ALLUMINIO plasma			
Variazioni: Unità di Misura, Valori di riferimento, Sensibilità Analitica			
COD. ASL	90.07.1	COD. FLEMING RESEARCH	ML35
METODO	assorbimento atomico-sens. 1.0	REFERTAZIONE (gg lavoratorivi)	6
CAMPIONE	plasma da Eparina-Litio	FREQUENZA ESECUZIONE	settimanale
CONSERVAZIONE	+4°C	U MISURA	ug/L
QUANTITA' MINIMA	1.0 mL	VALORI RIFERIMENTO	<10
NOTE:			

EMOCROMATOSI (genotipiz.-15 mutazioni)			
Variazioni: Numero mutazioni indagate			
COD. ASL	2x(91.30.1)+ 91.36.5	COD. FLEMING RESEARCH	GM67
METODO	PCR e ibridazione	REFERTAZIONE (gg lavoratorivi)	6
CAMPIONE	Trasp.:+4°C (>72h: -20°C)	FREQUENZA ESECUZIONE	settimanale
CONSERVAZIONE	sangue+EDTA	U MISURA	
QUANTITA' MINIMA	2.0 mL	VALORI RIFERIMENTO	HFE: C282Y HFE: H63D HFE: H63H HFE: S65C HFE: V53M HFE: V59M HFE: E168Q HFE: E168X HFE: W169X HFE: Q283P TFR2: Y250X TFR2: E60X TFR2: M172K FPN1: N144H FPN1: V162del
NOTE: ELIMINAZIONE DELLA RICERCA DI TRE MUTAZIONI MINORI (Q127H – P160delC – AVAQ594-597del)			

VARIAZIONI RIMBORSO ASL RELATIVO A CAMBIO METODICA A PARTIRE DA:

MERCOLEDI' 1-12-2010

Cod.Fleming	Esame	Metodo	Cod. ASL
GM44	FATTORE V – Mutazione Leiden	REAL TIME -PCR	91294 + 91365
GM61	FATTORE II – Mutazione G20210A	REAL TIME -PCR	91294 + 91365
GM57	MTHFR – Mutazione C677A	REAL TIME -PCR	91294 + 91365
GM30	FIBROSI CISTICA –(33 Mutazioni)	SEQUENZIAMENTO	3x(91303) + 91365
GM67	EMOCROMATOSI – (15 Mutazioni)	PCR +IBRIDAZIONE (DOT BLOT)	2x(91301) + 91365
GM82	APO-E	PCR +IBRIDAZIONE (DOT BLOT)	91301+ 91365